

pGEX ベクターマップ

pGEX-2T (28-9546-53)

Thrombin
 Leu Val Pro Arg⁺Gly Ser⁺Pro Gly Ile His Arg Asp
 CTG GTT CCG CGT GGA TCC CCG GGA ATT CAT CGT GAC TGA CTG ACC
 BamH1 SmaI EcoRI Stop codons

pGEX-4T-1 (28-9545-49)

Thrombin
 Leu Val Pro Arg⁺Gly Ser⁺Pro Glu Phe Pro Gly Arg Leu Glu Arg Pro His Arg Asp
 CTG GTT CCG CGT GGA TCC CCG GAA TTC CCG GGT CGA CTC GAG CGG CCG CAT CGL GAC TGA
 BamH1 EcoRI SmaI SalI XhoI NotI Stop codons

pGEX-4T-2 (28-9545-50)

Thrombin
 Leu Val Pro Arg⁺Gly Ser⁺Pro Glu Ile Pro Gly Ser Thr Arg Ala Ala Ser
 CTG GTT CCG CGT GGA TCC CCA GGA ATT CCG GGG TCG AAT CGA GCG GCC GCA TCG TGA
 BamH1 EcoRI SmaI SalI XhoI NotI Stop codon

pGEX-4T-3 (28-9545-52)

Thrombin
 Leu Val Pro Arg⁺Gly Ser⁺Pro Asn Ser Arg Val Asp Ser Ser Gly Arg Ile Val Thr Asp
 CTG GTT CCG CGT GGA TCC CCG AAT TCC CCG GTC GAC TCG AGC GGC CGC ATC GTG ACT GAC TGA
 BamH1 EcoRI SmaI SalI XhoI NotI Stop codons

pGEX-5X-1 (28-9545-53)

Factor Xa
 Ile Glu Gly Arg⁺Gly Ile Pro Glu Phe Pro Gly Arg Leu Glu Arg Pro His Arg Asp
 ATC GAA GGT CGT GGG ATC CCC GAA TTC CCG GGT CGA CTC GAG CGG CCG CAT CGT GAC TGA
 BamH1 EcoRI SmaI SalI XhoI NotI Stop codons

pGEX-6P-1 (28-9546-48)

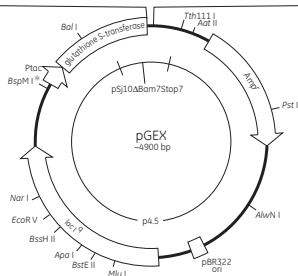
PreScission Protease
 Leu Glu Val Leu Phe Gln⁺Gly Pro⁺Leu Gly Ser Pro Glu Phe Pro Gly Arg Leu Glu Arg Pro His
 CTG GAA GTT CTG TTC CAG GGG CCC CTG GGA TCC CCG GAA TTC CCG GGT CGA CTC GAG CGG CCG CAT
 Arg Asp
 CGT GAC TGA CTG ACC
 BamH1 EcoRI SmaI SalI XhoI NotI
 Stop codons

pGEX-6P-2 (28-9546-50)

PreScission Protease
 Leu Glu Val Leu Phe Gln⁺Gly Pro⁺Leu Gly Ser Pro Glu Ile Pro Gly Ser Thr Arg Ala Ala Ala
 CTG GAA GTT CTG TTC CAG GGG CCC CTG GGA TCC CCA GGA ATT CCC GGG TCG ACT CGA GCG GCC GCA
 Ser
 TCG TGA CTG ACT GAC
 BamH1 EcoRI SmaI SalI XhoI NotI
 Stop codons

pGEX-6P-3 (28-9546-51)

PreScission Protease
 Leu Glu Val Leu Phe Gln⁺Gly Pro⁺Leu Gly Ser Pro Asn Ser Arg Val Asp Ser Ser Gly Arg
 CTG GAA GTT CTG TTC CAG GGG CCC CTG GGA TCC CCG AAT TCC CCG GTC GAC TCG AGC GGC CGC
 Ile Val Thr Asp
 ATC GTG ACT GAC TGA
 BamH1 EcoRI SmaI SalI XhoI NotI
 Stop codons



図中には、完全には示されていませんが、すべてのベクターはマルチクローニングサイトの下流に各 3 フレームに対応したストップコドンが存在しています。

* 制限酵素 *BspM*I によるベクターの消化には、ベクターの上に 2 つの *BspM*I サイトが必要になりますが、pGEX ベクター上には *BspM*I サイトが 1 つしかないため、十分に消化できない可能性があります。